

8

87.7 1493 3820 4854

3

4

```
1680 1690 1700 1710 1720 1730
SmW_R_ORF_dn TCAGCGGATGTCTCTCTTTGTGTCCAAAAGAACCTGGAGAACATCCCGTAGTGTTTGAA
      ::::: ::::: ::::: ::::: ::::: :::::
SmW_H_DNA_C TCACGAGATGTCTCCTCTTTGTGTCTAAAGAGCCTGGAGAACATCCAGTAGTGTTTGAA
      850 860 870 880 890 900
1740 1750 1760 1770 1780 1790
SmW_R_ORF_dn GTTCCGGTGGCTACTGTGGCCACGTGGTCCCTGCCATGTTCCCCAGTTCTGCCTGGGCA
      ::::: ::::: : : : ::::: ::::: : : : : :::::
SmW_H_DNA_C GTTCCCCTGGCTACAGCTGGCATGTGGTCTTGCATGTTCTCAAAGCTCAGCATGGGCA
      910 920 930 940 950 960
1800 1810 1820 1830 1840 1850
SmW_R_ORF_dn TCCTGTGTGTGGCACCAGCCAGTGGAGTGAAGTCACTGCGTCACTCCCCGAGGGATGGACTA
      ::::: ::::: ::::: ::::: ::::: :::::
SmW_H_DNA_C TCCTGTGTGTGGCACCAGCCAGTGGAGTGAAGTCACTGCACTACCCCCGGCGGATGGACTG
      970 980 990 1000 1010 1020
1860 1870 1880 1890 1900 1910
SmW_R_ORF_dn GAGGTGGTGGTGACCCAGGGGCCATGGGGGCTTATGCTTGCGAGTGTCAAGGAGGGTGGG
      ::::: ::::: ::::: ::::: ::::: :::::
SmW_H_DNA_C GAGGTGGTGGTGACCCAGGGGCCATGGGGGCTTATGCTTGGAATGTCAAGGAGGGTGGG
      1030 1040 1050 1060 1070 1080
1920 1930 1940 1950 1960 1970
SmW_R_ORF_dn GCGGCGCGGTGGTGGCTGCTTATAGCTTGGTGTGGGGCAGCCAGCGGGGACCCCTCAAAC
      :: ::::: ::::: : ::::: ::::: ::::: : : : :
SmW_H_DNA_C GCAGCCCATGTGGTAGCAGCTTACAGCTTGGTATGGGGCAGCCAGCGAGATGCTCCGAGC
      1090 1100 1110 1120 1130 1140
1980 1990 2000 2010 2020 2030
SmW_R_ORF_dn CGGGCCACACCGTTGTGGGGCTGGATTGGTTGGCTTTCTCCTGGGTGTTCTTCAGCA
      ::::: : : ::::: : : : ::::: : : : :::::
SmW_H_DNA_C CGGGCCACACAG—TGGGGGGGGGACTGGCTGGCTTCTTCTGGGATTCTCGCAGCA
      1150 1160 1170 1180 1190
2040 2050 2060 2070 2080 2090
SmW_R_ORF_dn TCCCTCACTCTCCTCCTGATTGGTCCCGTCAACAGCGTCGGCGACAGAGGGAGCTTCTA
      ::::: ::::: : ::::: ::::: ::::: :::::
SmW_H_DNA_C TCCCTCACTCTCATTCTGATTGGTCCCGTCAACAGCGACAGCGGACAGAGGGAACCTCTG
      1200 1210 1220 1230 1240 1250
2100 2110 2120 2130 2140 2150
```

```

SmW_R_ORF_dn  GCTAGAGACAAGGTGGGCTTAGATCTGGGGCTCCACCTTCTGGGACCACAAGCTATAGT
                : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
SmW_H_DNA_C    GCTAGAGACAAGGTGGGCTGGACCTGGGGCTCCACCTTCTGGGACCACAAGCTACAGC
                1260      1270      1280      1290      1300      1310
                2160      2170      2180      2190      2200      2210
SmW_R_ORF_dn  CAGGACCTCCCTCTCCTTCGGCTGAAGATGAACGGCTGCCCTGGCGCTGGGTAAAGCGG
                : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
SmW_H_DNA_C    CAAGACCTCCCTCCCCCTCTCCTGAAGATGAGCGGTTGCCCTGGCGCTGGCCAAGAGG
                1320      1330      1340      1350      1360      1370
                2220      2230      2240      2250      2260      2270
SmW_R_ORF_dn  GGCAGTGGTTTGGTGGCTTCCTCCACCGTTCTGCTGGATTCTTGCCCAAGCCCAAGCC
                : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
SmW_H_DNA_C    GGCAGTGGCTTTGGTGGATTCTCACCACCGTTCTGCTTGATCCTTGCCCAAGCCCAAGCC
                1380      1390      1400      1410      1420      1430
                2280      2290      2300      2310      2320      2330
SmW_R_ORF_dn  CAGATCCGGCTCACTGGGGCGCCTCTAGCCACGTGTGATGAGACCTCCATCTAA
                : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
SmW_H_DNA_C    CACATTGGGCTAACTGGGGCTCCTGTAGCCACATGTGATGAAACATCCATCTAG
                1440      1450      1460      1470      1480      1490

```